

SoftMolecular®



SoftMolecular, la solution intuitive de SCC pour les flux de travail des laboratoires de diagnostic génétique, permet aux médecins généticiens et pathologistes de créer des protocoles adaptés pour la gestion des flux de travail liés à la mise en œuvre des tests, d'obtenir des données et des images d'instruments automatisés au moyen d'interfaces, de générer automatiquement des textes de rapport à partir de procédures de rapport axées sur les résultats et d'accéder facilement aux dossiers des tests, aux dossiers médicaux familiaux et à ceux du patient.

Caractéristique phare :

Ce logiciel de pointe prend en charge à la fois des applications cliniques et de recherches de méthode de séquençage à haut débit (NGS) qu'il s'agisse de Panels ciblés, de Séquençage d'exome entier (WES) ou de Séquençage de génome entier (WGS).

SoftMolecular permet aux médecins pathologistes, généticiens et légistes de gérer des données et des analyses issues des méthodes actuelles de test moléculaire afin de générer des interprétations précises et des rapports pertinents. Cette application solide et conviviale permet à l'utilisateur de rationaliser les flux de travail, de travailler en interface avec les instruments automatisés, de gérer les dossiers des patients et les dossiers familiaux, d'effectuer le suivi du stockage des échantillons et de contrôler l'inventaire. Les produits du système Genetics Information Systems Suite™ de SCC rend possible la communication avec d'autres laboratoires, qu'il s'agisse de services s'appuyant sur des technologies distinctes ou des sites multiples.

CARACTÉRISTIQUES ET AVANTAGES

Caractéristique : Tableau de variants/mutation et Tableau principal des gènes

Avantage :

Cette fonctionnalité prend en charge la génération de la base de données de variants de votre laboratoire, la catégorisation des variants, le contrôle des versions et le couplage avec des bases de données essentielles (OMIM, NCBI, etc.), pour faciliter la saisie de variants, leur gestion et leur interprétation. Le Tableau principal de gènes permet à l'utilisateur de capturer des informations depuis d'autres bases de données sur internet pour une interprétation aisée des variants.

Caractéristique : Les procédures de rapport NGS offre une identification simple des variants à faire figurer dans des sections distinctes de catégories (reflétant les états de pathogénicité, que le trouble soit médicalement exploitable et que la découverte soit liée au phénotype clinique). Des hyperliens peuvent être inclus vers des sites web pertinents associés à chacun des variants. Sont également disponibles des procédures de rapport utilisant internet ainsi que des options de divers niveaux de rapports.

Avantage :

Des rapports clairs et concis seront fournis à vos clients, représentant uniquement les résultats souhaités et offrant un accès simple à des informations pertinentes présentes sur internet.

Caractéristique : Travailler sans interruption en interface avec des instruments d'analyse de fragments et de séquençage.

Avantage :

Remplacer la saisie manuelle de résultats de données par un travail en interface avec les instruments permet de se passer d'un investissement en ressources et d'éliminer les taux d'erreur inhérents à celle-ci, garantissant ainsi une plus grande efficacité et une plus grande précision.

Caractéristique : Possibilité de choisir une ré-exécution de tout un lot ou d'assigner automatiquement un échantillon spécifique au prochain lot en attente d'un simple clic.

Avantage :

Cette caractéristique permet aux utilisateurs de gérer facilement et rapidement des répétitions de tests de sorte que ceux-ci soient exempts de tout retard ou mauvaise gestion susceptibles d'apparaître dans le cas d'une approche manuelle de gestion de la procédure. Cela garantit un temps de traitement des plus courts pour une plus grande satisfaction du client.

Caractéristique : Possibilité de relier des contrôles à un échantillon ou à un lot.

Avantage :

La documentation relative aux contrôles sera précise, accessible par patient ou par lot et restera liée par voie électronique pour des références ou des recherches historiques. Vous ne serez plus contraints de trier des registres ou des fichiers manuels pour identifier ou suivre des données de contrôle pour résoudre des défaillances dans le cadre du contrôle de qualité.

Caractéristique : Calcul automatique des Master mix avec déduction automatique du volume à partir de l'inventaire.

Avantage :

Réduction des calculs et du contrôle de l'inventaire effectués de façon manuelle garantissant des calculs exempts d'erreur et une gestion efficace de l'inventaire.

Caractéristiques et Avantages

Caractéristique : Alertes gérées par des règles et notifications s'appuyant sur des paramètres client, des paramètres démographiques des patients, des paramètres de tests ou de résultats.

Avantage : Réduction des communications papier ou téléphoniques garantissant que des instructions particulières ou des informations essentielles soient livrées dans les délais requis et sans erreur.

Caractéristique : Mise en œuvre de tests réflexes automatiques et/ou ré-exécution automatique de tests grâce à des technologies s'appuyant sur des règles définies par le client.

Avantage : Supprime les erreurs manuelles inhérentes à la commande manuelle de test réflexe/ré-exécution et réduit les délais de rotation des tests.

CAPTURE D'ÉCRAN

Tableau NGS de Variant/Mutation

La fonctionnalité de SoftMolecular qui prend en charge la technologie NGS (panels, WES et WGS) comprend le Tableau de Variant/Mutation, qui présente le/la variant/mutation depuis la base de données interne ainsi que les variants/mutations chargés depuis les bases de données internet. Tous les patients présentant le même variant sont répertoriés pour faciliter l'analyse et la mise à jour. Le contrôle de versions des informations est également inclus, ce qui permet à l'utilisateur d'effectuer le suivi des informations disponibles utilisées pour chacune des interprétations dans les cas où de nouvelles informations peuvent avoir des conséquences sur l'annotation ou l'interprétation du variant.

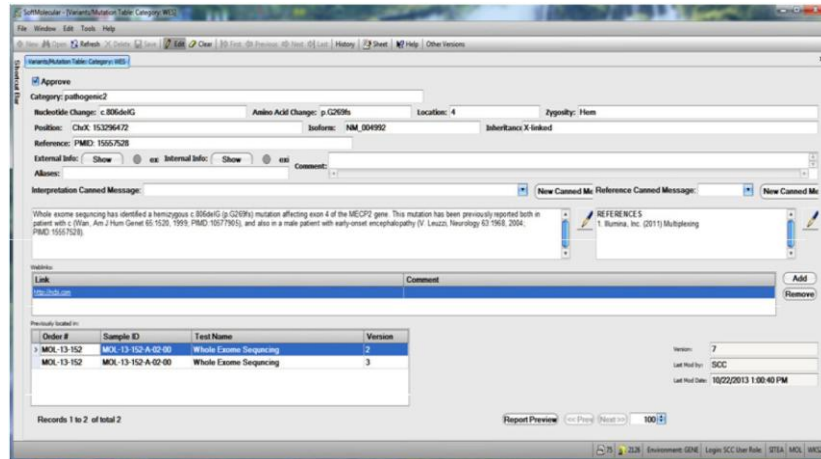
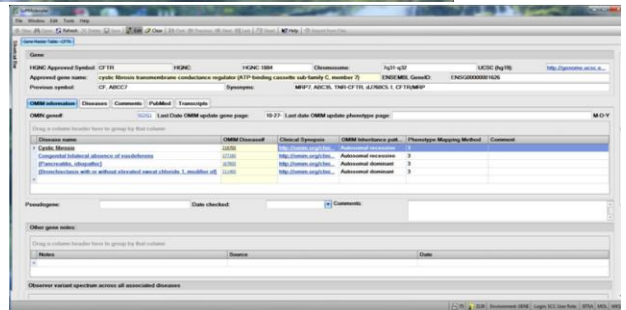


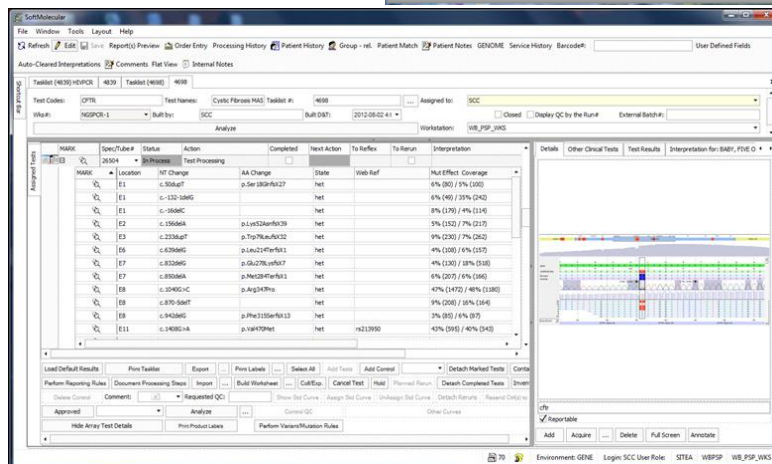
Tableau NGS principal des gènes

Celui-ci fournit des informations lisibles en un seul coup d'œil (transcriptions, maladies associées, etc.) sur les exons pour un gène donné ainsi qu'un répertoire de données pertinentes issues de sources internet avec des liens vers ces mêmes sources.



Liste de tâches Résultats

La fonction d'analyse associe les résultats de votre patient aux informations contenues dans le Tableau principal des gènes et dans le Tableau de variants/mutation pour une interprétation plus facile. Un lien direct relie les deux tableaux de manière simple.



Genetics Information Systems Suite™
 SoftFlowCytometry® • SoftMolecular® • SoftBiochemistry®
 SoftPathDx® • SoftCytogenetics® • SoftHLA®
 SoftiWS® • SoftGenePortal™



SCC Soft Computer
 5400 Tech Data Drive
 Clearwater, Florida 33760
 ©2012-2014 SCC Soft Computer
 Tous droits réservés

www.softcomputer.com
 sales@softcomputer.com